

FIGURE 1

SEQ ID NO:06	MAIPVRSAAAPR-RLVPSIPPASSGHV----	RLACFGTRTGPRGARGLSMVVADSTSR	1	60
SEQ ID NO:08	MAIPVRSAAAPR-RLVPSIPPASSGHV----	RLACFGTRTGPRGARGLSMVVADSTSR		
SEQ ID NO:17	MASALQQLQGVQGLAVSMVSRRSLHHCKSQ	IGFAALGAPVCARRVWGNRVAFSVTICK-		
SEQ ID NO:06	AKQADGGDGLGAPVLGGLGMEGLDQLSVVMK	FGGSSVSSAARMAEVAAGLILTFPEERP		
SEQ ID NO:08	AKQADGGDGLGAPVLGGLGMEGLDQLSVVMK	FGGSSVSSAARMAEVAAGLILTFPEERP		
SEQ ID NO:17	---ASTSDVIEKNATENGMSVSEGETSFTCV	MKFGGSSVASADRMKEVATLILSFPEERP		
SEQ ID NO:06	VVLSAMGKTTNNLLAGEKAVGCGVIHVSEIEE	WNMVKSLHIKTVDELGLPX-ICNTSL		
SEQ ID NO:08	VVLSAMGKTTNNLLAGEKAVGCGVIHVSEIEE	WNMVKSLHIKTVDELGLPRSVIQDML		
SEQ ID NO:17	IVVLSAMGKTTNKLAGEKAVSCGVINVSSI	EELCFIKDLHLRTVDQLGVDGSVISKHL		
SEQ ID NO:06	YELEQLLKGIAMMKELTPRTSDYLVSFGE	CMSTRIFSAYLNKIRVKARQYDAFDIGFIT		
SEQ ID NO:08	DELEQLLKGIAMMKELTPRTSDYLVSFGE	CMSTRIFSAYLNKIRVKARQYDAFDIGFIT		
SEQ ID NO:17	EELEQLLKGIAMMKELTKRTQDYLVSFGE	CMSTRIFAAAYLNKIGVKARQYDAFEIGFIT		
SEQ ID NO:06	DEFGNADILEATYPAAKRLHGDWIQDPAIP	VVTGFLGKGWKSGAVTTLGRGGSDLTATT		
SEQ ID NO:08	DEFGNADILEATYPAAKRLHGDWIQDPAIP	VVTGFLGKGWKSGAVTTLGRGGSDLTATT		
SEQ ID NO:17	DDFTNADILEATYPAAKRLHGDWLSDP	AIIVTGFGLGKARKSCAVTTLGRGGSDLTATT		

FIGURE 1 CONTINUED

SEQ ID NO:06	*****
SEQ ID NO:08	IGKALGLREIQVWKDVGVLTCDPNIYPHAKTVPYLTFFEEATELAYFGAQVHLHPQSMRPA
SEQ ID NO:17	IGKALGLPEIQVWKDVGVLTCDPNIYPKAEPPYLTFDAAELAYFGAQVHLHPQSMRPA
	360
SEQ ID NO:06	** ***** **
SEQ ID NO:08	REGDIPVRVKNSYNPKAPGTLITQRDMDXGLVLTSLVLSNVMTMLDIVSTRMLGQYGF
SEQ ID NO:17	RESDIPVRVKNSYNPKAPGTLITKARDMSKA--VLTSLVLRNVTMLDIASSTRMLGQYGF
	361
SEQ ID NO:06	** * * * *
SEQ ID NO:08	LARVSGICYIEDLCISVDCVATSEVSVSVDPSKIWSRELIIQAASELDHVVEELEKIAI
SEQ ID NO:17	LAKVFSI--FEELGISVDVVATSEVSLSLTDPSKLWSRELIIQAASELDHVVEELEKIAI
	421
SEQ ID NO:06	* * * * *
SEQ ID NO:08	VRLLOQRAIISLIGNVEQSSLIILEKTGRVLRKSGVNVMISQGASKVNMSLIVHDSDAKA
SEQ ID NO:17	VNLLQNRSIISLIGNVQRSSLILERLSRVLTGLGTVMISQGASKVNISLVVNDSEAEQ
	481
SEQ ID NO:06	* * * * *
SEQ ID NO:08	LVEALHQAFFEDDVLSQVEAENLL-----VG
SEQ ID NO:17	CVRALHSAFFESE-LSELEMDYKNNGSVDEL
	541
SEQ ID NO:06	* * * * *
SEQ ID NO:08	LVEALHQAFFEDDVLSQVEAENLL-----VG
SEQ ID NO:17	CVRALHSAFFESE-LSELEMDYKNNGSVDEL
	573